

**Luca De Sabato**

Data di nascita:  | Nazionalità: Italiana | Sesso Maschile |  |

### ● **COMPETENZE TECNICHE**

1) Ottima conoscenza delle seguenti tecniche di biologia molecolare:

Estrazione DNA/RNA

Sintesi del cDNA

PCR: nested RT-PCR, Real Time PCR, Real Time quantitativa

Clonaggio: utilizzo degli Enzimi di restrizione, Trasformazioni, Estrazioni plasmidiche, Colture batteriche

SDS-page e Western Blot

ELISA

Immunistoichimica (IHC)

2) Ottima conoscenza delle tecniche di sequenziamento NGS:

Preparazione di librerie per sequenziamento NGS (sintesi, amplificazione e purificazione)

Tecniche di sequenziamento di nuova generazione (NGS) con piattaforme Illumina, Ion Torrent, Nanopore

### ● **COMPETENZE DIGITALI**

1) Ottima conoscenza di Microsoft Office (Excel, Power Point, Word, Teams...), Skype.

2) Ottima conoscenza dei principali software per l'analisi dei dati prodotti tramite NGS: Analisi di qualità delle reads (Illumina, Ion Torrent, Nanopore), Assemblaggio *De novo* (Velvet, Spades), Trimmomatic, BWA, Mapping (Bowtie, Minimap), Quast, CLC Workbench, IGV

3) Ottima conoscenza dei principali software per l'analisi filogenetiche: metodi bayesiani, Maximum Likelihood, neighbor joining, BLAST, FigTree, MEGA, MrBayes, PhyML, Mafft, ClustalW, TreePuzzle, IQTree, Aliview, Hyphy, Bionumerics, NCBI database, BioEdit, FinchTV

4) Ottima conoscenza del sistema operativo Linux e dei linguaggi di programmazione per la costruzione di pipeline analitiche di dati NGS e non: Python, Bash, PHP

5) Ottima conoscenza della piattaforma Galaxy, degli applicativi per la costruzione e l'analisi dei genomi virali: Analisi delle varianti, ricostruzione dei genomi completi tramite tool riportati al punto 2, VCF, Samtools, Bedtools

6) Buona conoscenza dei sistemi per l'analisi delle proteine e predizione delle strutture secondarie e terziarie: PDB database, Chimera, PyMol

### ● **ESPERIENZA LAVORATIVA**

01/07/2017 – 30/06/2021 – Roma, Italia

**BORSISTA – ISTITUTO SUPERIORE DI SANITÀ (ISS)**

Borsista presso il Reparto di Zoonosi Emergenti, Dipartimento di Sicurezza Alimentare, Nutrizione e Sanità Pubblica Veterinaria dell'Istituto Superiore di Sanità: Viale Regina Elena, 299, 00161 Roma, RM

Attività principali: rilevazione molecolare di virus zoonotici come il virus dell'epatite E (HEV), Coronavirus: SARS-CoV-2, MERS-CoV, virus correlati a Beta-CoV e virus non zoonotici come Sapelovirus, nell'uomo e nei serbatoi animali. La rilevazione dei ceppi circolanti è stata effettuata utilizzando i metodi molecolari più comuni: nested RT-PCR, RT-qPCR e Next Generation Sequencing (NGS: Ion Torrent S5 Machine). I genomi sono stati ricostruiti, analizzate le varianti e prodotti alberi filogenetici utilizzando la piattaforma Galaxy Aries e/o in-house pipeline costruite tramite script in Bash o Python.

2016 – Leuven, Belgio

**PREDEMICS SCIENTIFIC EXCHANGE PROGRAMME APPLICATION – REGA INSTITUTE FOR MEDICAL RESEARCH**

Short Term Mission di 2 settimane, dal 31/07/2016 al 08/07/2016, e dal 25/09/2016 al 01/10/2016 presso il Laboratorio di Virologia Clinica ed Epidemiologica del Dr. Philippe Lemey, Dipartimento di Microbiologia e Immunologia, KU Leuven- Università di Leuven, Minderbroedersstaat 10, 3000,

Attività: caratterizzazione di genomi completi di ceppi del virus dell'epatite E (HEV), sequenziati a partire da RNA estratto da campioni fecali, mediante NGS (Next Generation Sequencing), utilizzando analisi filogenetiche, filodinamiche e filogeografiche su un dataset di sequenze HEV italiane scaricate dal database internazionale NCBI.

01/11/2015 – 01/11/2018 – Roma, Italia

**DOTTORATO IN SCIENZE E TECNOLOGIE BIOMEDICHE – ISTITUTO SUPERIORE DI SANITÀ (ISS)**

---

Dottorando presso il reparto Zoonosi Emergenti, Dipartimento di Sicurezza Alimentare, Nutrizione e Sanità Pubblica Veterinaria dell'Istituto Superiore di Sanità: Viale Regina Elena, 299, 00161 Roma, RM.

Scuola di Dottorato in Scienze e Tecnologie Biomediche presso il Dipartimento di Biologia dell'Università "Roma Tre" con sede in Viale G. Marconi, 446 - 00146 Roma, RM.

Attività: rilevazione del virus dell'epatite E (HEV) e di Coronavirus (CoV) nei serbatoi animali come suini e cinghiali per HEV e pipistrelli per CoV. L'attività si è concentrata sullo sviluppo di protocolli di sequenziamento del genoma completo utilizzando Next Generation Sequencing (NGS), in particolare la piattaforma Ion Torrent (Personal Genome Machine, PGM). I dati ottenuti dalle corse di sequenziamento sono stati elaborati attraverso la piattaforma Galaxy per l'analisi di qualità delle sequenze e la ricostruzione completa dei genomi. La caratterizzazione dei ceppi circolanti e lo studio delle loro relazioni evolutive sono stati effettuati tramite analisi filogenetiche.

## ● ISTRUZIONE E FORMAZIONE

---

18/06/2021

**ABILITAZIONE SCIENTIFICA NAZIONALE – Ordine Nazionale Biologi**

---

Esame di Stato per la professione di Biologo Specialista sostenuto e passato con esito positivo il 18/06/2021 presso l'Università degli Studi di Roma "Tor Vergata".

01/10/2019 – ATTUALE – Via della Ricerca Scientifica 1, Roma, Italia

**CORSO DI LAUREA MAGISTRALE IN BIOINFORMATICA – Università di Roma "Tor Vergata"**

---

Attualmente iscritto come studente part-time presso il Corso di Laurea Magistrale in Bioinformatica presso l'Università degli Studi di Roma "Tor Vergata"

Esami attualmente sostenuti: 11/12

- 1)Attività a scelta (AAS) 30/30
- 2) Genomica ed elementi di genetica statistica 30/30
- 3)Proteomica cellulare e principi di proteomica 30/30 e lode
- 4)Statistica Biomedica 24/30
- 5)Programmazione e laboratorio di programmazione 30/30 e lode
- 6)Bioinformatica strutturale 30/30 e lode
- 7)Bioinformatica 25/30
- 8)Genomica e bioinformatica dei microorganismi 28/30
- 9)Medicina Traslazionale e Personalizzata 30/30
- 10)Basi di Dati 28/30
- 11) Applicazioni web 30/30 e lode

01/11/2015 – 01/11/2018 – Viale G. Marconi, 446 , Roma, Italia

**DOTTORATO IN SCIENZE E TECNOLOGIE BIOMEDICHE – Università degli Studi di Roma "Roma Tre"**

---

Titolo ottenuto il 28/02/2019. |

Monitoring Hepatitis E Virus and Coronavirus in animal reservoirs by classical molecular techniques

2012 – 2014 – Piazzale Aldo Moro 5 , Roma, Italia

**CORSO DI LAUREA MAGISTRALE IN GENETICA E BIOLOGIA MOLECOLARE NELLA RICERCA DI BASE E BIOMEDICA**

---

La formazione ha previsto: in una prima fase l'individuazione del virus dell'epatite E (HEV) in 65 suini asintomatici a partire da campioni fecali e biliari. Nella seconda fase del lavoro, la presenza del virus in conigli d'allevamento e domestici a partire da campioni di feci. Inoltre, i sieri di conigli domestici sono stati testati per la presenza di anticorpi anti-HEV utilizzando la proteina del capsid virale rORF2 come antigene. Nella fase finale del lavoro è stata espressa in un sistema procariotico la fosfoproteina ORF3 di HEV e utilizzata per testare sia i sieri di coniglio che di suino.

16/12/2014 - 110/110 con lode | Studio pilota sulla circolazione del virus dell'epatite E nei conigli e nei suini

2008 – 2012 – Via della Ricerca Scientifica 1, Roma, Italia

**CORSO DI LAUREA TRIENNALE IN SCIENZE BIOLOGICHE**

---

La formazione ha previsto: l'amplificazione di una breve regione all'interno del gene che codifica per la Citocromo Ossidasi I, definita regione Barcode a partire da otto diverse specie di Orthoptera Tettigoniidae epigei appartenenti al genere Eupholidoptera. È stata eseguita prima l'estrazione del DNA e poi la PCR (Polymerase Chain Reaction) per l'amplificazione della regione di interesse.

18/05/2012 - 108/110 | Estrazione del DNA e PCR, esempi di protocolli per le ricostruzioni filogenetiche

## ● **COMPETENZE LINGUISTICHE**

---

Lingua madre: ITALIANO

Altre lingue:

	COMPRESIONE		ESPRESSIONE ORALE		SCRITTURA
	Ascolto	Lettura	Produzione orale	Interazione orale	
<b>INGLESE</b>	B1	B1	B1	B1	B1

Livelli: A1 e A2: Livello elementare B1 e B2: Livello intermedio C1 e C2: Livello avanzato

## ● **PUBBLICAZIONI**

---

### **SARS-CoV-2 complete genome sequencing from the Italian Campania region using a highly automated next generation sequencing system**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/34090468/> – 2021

Anna Maria Rachiglio, [Luca De Sabato](#), Cristin Roma, Michele Cennamo, Mariano Fiorenza, Daniela Terracciano, Raffaella Pasquale, Francesca Bergantino, Ernesta Cavalcanti, Gerardo Botti, Gabriele Vaccari, Giuseppe Portella, Nicola Normanno

### **Possible Human-to-Dog Transmission of SARS-CoV-2, Italy, 2020**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33979566/> – 2021

Nicola Decaro, Gabriele Vaccari, Alessio Lorusso, Eleonora Lorusso, [Luca De Sabato](#), Edward I Patterson, Ilaria Di Bartolo, Grant L Hughes, Liana Teodori, Costantina Desario, Barbara Colitti, Dominga Ricci, Domenico Buonavoglia, Sergio Rosati, Vito Martella, Cesare Cammà, Umberto Agrimi, Gabriella Elia

### **Long-term surveillance for hepatitis E virus in an Italian two-site farrow-to-finish swine farm**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33934531/> – 2021

Giovanni Ianiro, Eleonora Chelli, [Luca De Sabato](#), Marina Monini, Fabio Ostanello, Ilaria Di Bartolo

### **SARS-CoV-2 RECOVERY: a multi-platform open-source bioinformatic pipeline for the automatic construction and analysis of SARS-CoV-2 genomes from NGS sequencing data**

---

<https://www.biorxiv.org/content/10.1101/2021.01.16.425365v2> – 2021

[Luca De Sabato](#), Gabriele Vaccari, Arnold Knijn, Giovanni Ianiro, Ilaria Di Bartolo, Stefano Morabito

### **Detection and whole genome sequencing of murine norovirus in animal facility in Italy**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33511904/> – 2020

Silvia Tofani, Giovanni Ianiro, [Luca De Sabato](#), Marina Monini, Giorgia Angeloni, Eleonora Ponterio, Claudia D'Agostino, Michele Angelo Di Bari, Mauro Valeri, Ilaria Di Bartolo

### **Can Coronaviruses Steal Genes from the Host as Evidenced in Western European Hedgehogs by EriCoV Genetic Characterization?**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/33419245/> – 2020

[Luca De Sabato](#), Ilaria Di Bartolo, Maria Alessandra De Marco, Ana Moreno, Davide Lelli, Claudia Cotti, Mauro Delogu, Gabriele Vaccari

### **Pilot Investigation on the Presence of Anti-Hepatitis E Virus (HEV) Antibodies in Piglet Processing**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/32660057/> – 2020

Ilaria Di Bartolo, [Luca De Sabato](#), Eleonora Chelli, Giovanni Loris Alborali, Matteo Tonni, Marina Monini, Alessia De Lucia, Fabio Ostanello

### **Detection of Hepatitis E Virus in Livers and Muscle Tissues of Wild Boars in Italy**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/31506837/> – 2020

[Luca De Sabato](#), Maria Grazia Amoroso, Giovanni Ianiro, Claudia Esposito, Luigi De Grossi, Giovanna Fusco, Antonino Barone, Enrica Martini, Fabio Ostanello, Ilaria Di Bartolo

### **Detection and Characterization of Porcine Sapelovirus in Italian Pig Farms**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/32498384/> – 2020

Eleonora Chelli, [Luca De Sabato](#), Gabriele Vaccari, Fabio Ostanello, Ilaria Di Bartolo

---

**Molecular Characterization of HEV Genotype 3 in Italy at Human/Animal Interface**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/32117156/> – 2020

[Luca De Sabato](#), Ilaria Di Bartolo, Daniele Lapa, Maria Rosaria Capobianchi, Anna Rosa Garbuglia

---

**Detection of hepatitis E virus RNA in rats caught in pig farms from Northern Italy**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/31592576/> – 2020

[Luca De Sabato](#), Giovanni Ianiro, Marina Monini, Alessia De Lucia, Fabio Ostanello, Ilaria Di Bartolo

---

**Full genome characterization of two novel Alpha-coronavirus species from Italian bats**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/30447246/> – 2019

[Luca De Sabato](#), Davide Lelli, Francesca Faccin, Sabrina Canziani, Ilaria Di Bartolo, Gabriele Vaccari, Ana Moreno

---

**Occurrence of HEV-RNA in Italian Regional Pork and Wild Boar Food Products**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/31512058/> – 2019

Angela Michela Immacolata Montone, [Luca De Sabato](#), Elisabetta Suffredini, Mosè Alise, Alessandra Zaccherini, Palmiero Volzone, Orlandina Di Maro, Benedetto Neola, Federico Capuano, Ilaria Di Bartolo

---

**Molecular detection and phylogenetic analysis of hepatitis E virus strains circulating in wild boar in south-central Italy**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/28497542/> – 2018

G Aprea, M G Amoroso, I Di Bartolo, N D'Alessio, D Di Sabatino, A Boni, B Cioffi, D D'Angelantonio, S Scattolini, [L De Sabato](#), G Cotturone, F Pomilio, G Migliorati, G Galiero, G Fusco

---

**Proposal for a new subtype of the zoonotic genotype 3 Hepatitis E virus: HEV-3I**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/29452164/> – 2020

[Luca De Sabato](#), Philippe Lemey, Bram Vrancken, Lebona Bonfanti, Letizia Ceglie, Gabriele Vaccari, Ilaria Di Bartolo

---

**Phylogenetic analysis of two genotype 3 Hepatitis E viruses from wild boar, Italy**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/30203361/> – 2018

[Luca De Sabato](#), Gabriele Vaccari, Philippe Lemey, Maria Grazia Amoroso, Giovanna Fusco, Giovanni Ianiro, Ilaria Di Bartolo

---

**Molecular survey of HEV infection in wild boar population in Italy**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/30207081/> – 2018

[Luca De Sabato](#), Fabio Ostanello, Luigi De Grossi, Anita Marcario, Barbara Franzetti, Marina Monini, Ilaria Di Bartolo

---

**Detection of uncommon G3P[3] rotavirus A (RVA) strain in rat possessing a human RVA-like VP6**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/28603021/> – 2017

Giovanni Ianiro, Ilaria Di Bartolo, [Luca De Sabato](#), Guglielmo Pampiglione, Franco M Ruggeri, Fabio Ostanello

---

**Detection and full genome characterization of two beta CoV viruses**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/29258555/> – 2017

Ana Moreno, Davide Lelli, [Luca De Sabato](#), Guendalina Zaccaria, Arianna Boni, Enrica Sozzi, Alice Prosperì, Antonio Lavazza, Eleonora Cella, Maria Rita Castrucci, Massimo Ciccozzi, Gabriele Vaccari

## **Retrospective Study Evaluating Seroprevalence of Hepatitis E Virus in Blood Donors**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/27911040/> – 2017

L De Sabato , I Di Bartolo , E Montomoli , C Trombetta , F M Ruggeri , F Ostanello

## **Serological survey of hepatitis E virus infection in farmed and pet rabbits in Italy**

---

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/26873813/> – 2016

Ilaria Di Bartolo , L De Sabato , A Marata , N Martinelli , C F Magistrali , M Monini , E Ponterio , F Ostanello , F M Ruggeri

## ● **PATENTE DI GUIDA**

---

Patente di guida: B

## ● **CONFERENZE E SEMINARI**

---

### **Sessioni Orali**

---

26/11/2020 – Evento online

**S.I.Di.L.V. Veterinary Public Health Laboratories and SARS-CoV-2 Genomic Research: Comparing Experiences**

---

De Sabato L., Vaccari G., Knijn A., Ianiro G., Di Bartolo I., Morabito S. Targeted NGS sequencing and Open-source pipeline for SARS-CoV-2 genome reconstruction.

04/12/2018 – 05/12/2018 – Università degli studi di Roma "Roma Tre"

**ANNUAL MEETING OF THE PhD PROGRAMME "BIOMEDICAL SCIENCES AND TECHNOLOGIES" (STB)**

---

Risultati terzo anno PhD: DOTTORATO IN SCIENZE E TECNOLOGIE BIOMEDICHE

"Novel approaches to investigate zoonotic infectious agents in animal reservoirs, food and the environment"

16/11/2017 – 17/11/2017 – Università degli studi di Roma "Roma Tre"

**ANNUAL MEETING OF THE PhD PROGRAMME "BIOMEDICAL SCIENCES AND TECHNOLOGIES" (STB)**

---

Risultati secondo anno PhD: DOTTORATO IN SCIENZE E TECNOLOGIE BIOMEDICHE

"Novel approaches to investigate zoonotic infectious agents in animal reservoirs, food and the environment"

14/12/2016 – 15/12/2016 – Università degli studi di Roma "Roma Tre"

**ANNUAL MEETING OF THE PhD PROGRAMME "BIOMEDICAL SCIENCES AND TECHNOLOGIES" (STB)**

---

Risultati primo anno PhD: DOTTORATO IN SCIENZE E TECNOLOGIE BIOMEDICHE

"Novel approaches to investigate zoonotic infectious agents in animal reservoirs, food and the environment"

13/10/2016 – 14/10/2016 – Torino (Italia)

**VI Workshop Nazionale di Virologia Veterinaria**

---

De Sabato L., Vaccari G., Lemey P., Di Bartolo I. Virus dell'Epatite E: identificazione di un nuovo sottotipo. (Hepatitis E virus: identification of a new subtype)

### **Poster**

---

05/07/2021 – 06/07/2021 – webinar

**5th national congress of the Italian Society for Virology**

---

Poster:

Giovanni Ianiro, Marina Monini, Luca De Sabato, Maria Grazia Ammendolia, Fabio Ostanello, Ilaria Di Bartolo. Isolation of HEV-3 strains from swine fecal samples on human a549 cell line.

23/10/2019 – 25/10/2019 – Matera (Italia)  
**XIX Congresso Nazionale S.I.Di.L.V.**

---

Poster:

De Sabato L., Ostanello F., De Grossi L., Vaccari G., Marcario A., Franzetti B., Ianiro G., Barone A., Martini E., Monini M., Di Bartolo I. Presenza del virus dell'epatite E (HEV) in fegati e muscoli di cinghiale. (Presence of the hepatitis E virus (HEV) in wild boar livers and muscles)

25/09/2019 – 28/09/2019 – Viterbo (Italia)  
**ISOwIF 2019 11th International Symposium on Wild Fauna**

---

Poster:

De Sabato L., Ostanello F., De Grossi L., Vaccari G., Marcario A., Franzetti B., Ianiro G., Barone A., Martini E., Monini M., Di Bartolo I., Circulation of Hepatitis E virus in wild boar population in Central Italy

25/09/2019 – 28/09/2019 – Viterbo (Italia)  
**I Simposio Internazionale sulla Fauna Selvatica**

---

Poster:

De Sabato L., Ostanello F., De Grossi L., Vaccari G., Marcario A., Franzetti B., Ianiro G., Barone A., Martini E., Monini M., Di Bartolo I. Circulation of Hepatitis E virus in wild boar population in Central Italy.

10/09/2019 – 12/09/2019 – Padova (Italia)  
**Congresso Nazionale SIV/ISV**

---

Poster:

1) De Sabato L., Ostanello F., De Grossi L., Marcario A., Franzetti B., Ianiro G., Barone A., Martini E., Monini M., Di Bartolo I. Circulation of Hepatitis E virus in wild boar population in Central Italy.  
2) Chelli E., De Sabato L., Ostanello F., Vaccari G., Di Bartolo I. Detection and genetic characterization of Sapelovirus A in Italian swine herds.

28/11/2018 – 30/11/2018 – Roma (Italia)  
**Congresso Nazionale SIV/ISV**

---

Poster:

1) Chelli E., De Sabato L., Dominici A., Ianiro G., Monini M., Ostanello F., Di Bartolo I.. Six- years persistence of hev in a pig farm in northern italy.  
2) De Sabato L., Ostanello F., De Grossi L., Marcario A., Franzetti B., Monini M., Di Bartolo I.. Molecular survey of HEV infection in wild boar population in italy.  
3) De Sabato L., Vaccari G., Lelli D., Lavazza A., Castrucci M.R., Moreno A. Identification and full genome characterization of alfa and beta-CoV viruses from bats in Italy.

07/11/2018 – 09/11/2018 – Perugia (Italia)  
**XVIII Congresso Nazionale S.I.Di.L.V.**

---

Poster:

De Sabato L., Ostanello F., De Grossi L., Marcario A., Franzetti B., Monini M., Di Bartolo I. Ricerca del virus dell'epatite e in una popolazione di cinghiali del centro italia (Detection of the hepatitis E virus in a population of wild boars in Central Italy).

26/08/2018 – 31/08/2018 – Berlino (Germania)  
**23rd International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology (VEME)**

---

Poster:

De Sabato L., Vaccari G., Lelli D., Lavazza A., Castrucci M.R., Moreno A. Identification and full genome characterization of Alfa and Beta-CoV viruses from bats in Italy.

07/07/2017 – 10/07/2017 – Sorrento (Italia)

**International symposium of the world association of veterinary laboratory diagnosticians**

---

Poster:

- 1) De Sabato L., Vaccari G., Lelli D., Lavazza A., Castrucci M.R., Moreno A. Identification and full genome characterization of a new unclassified Alfa-CoV viruses from bats in Italy.
- 2) De Sabato L., Vaccari G., Amoroso M.G., Cioffi B., Fusco G., Di Bartolo I. Full genome sequence of a genotype 3 HEV strain detected in wild boar.

27/06/2017 – 29/06/2017 – Guildford (Gran Bretagna)

**Med-Vet-Net Association 5th International Scientific Conference**

---

Poster:

De Sabato L., Vaccari G., Amoroso M.G., Fusco G., Cioffi B., Di Bartolo I.. Full genome sequencing and characterization of two uncommon HEV strains detected in wild boars.

13/10/2016 – 14/10/2016 – Torino (Italia)

**VI Workshop Nazionale di Virologia Veterinaria**

---

Poster:

De Sabato L., Di Bartolo I., Montomoli E., Trombetta C., Ruggeri F.M., Ostanello F. Studio retrospettivo sulla presenza di anticorpi anti virus dell'Epatite E (HEV) in sieri di donatori e veterinari che lavorano a contatto con suini. (Retrospective study on the presence of antibodies to Hepatitis E virus (HEV) in sera from donors and veterinarians working in contact with pigs)

28/09/2016 – 30/09/2016 – Pacengo di Lazise ( Italia)

**XVII Congresso Nazionale S.I.Di.L.V.**

---

Poster:

- 1) Aprea G., Amoroso M.G., Di Bartolo I., D'Alessio N., Boni A., Cio B., D'Angelantonio D., Scattolini S., De Sabato L., Di Sabatino D., Fusco G., Pomilio F., Migliorati G., Galiero G., Guarino A. Rivelazione molecolare ed indagine filogenetica di ceppi di virus dell'Epatite E circolanti in cinghiali in Sud Italia (Molecular detection and phylogenetic investigation of Hepatitis E virus strains circulating in wild boars in Southern Italy).
- 2) Vaccari G., De Sabato L., Cella E., Lavazza A., Zaccaria G., Boni A., Lo Presti A., Sozzi E., Ciccozzi M., Prosperi A., Lelli D., Moreno A. Full genome characterization of Beta-CoV viruses related to Middle East Respiratory Syndrome from two bats in Europe with NGS.

07/06/2016 – 10/06/2016 – Madrid (Spagna)

**XIII Congresso Spagnolo Nazionale di Virologia**

---

Poster:

De Sabato L., Di Bartolo I., Angeloni G., Ponterio E., Monini M., Ruggeri F.M., Ostanello, F. Complete genome sequence of a genotype 3 Hepatitis E strain identified in a swine farm in Italy.

14/09/2015 – 16/09/2015 – Orvieto (Italia)

**13h Congresso Nazionale della Società Italiana di Virologia**

---

Poster:

De Sabato L., Di Bartolo I., Angeloni G., Ponterio E., Monini M., Ostanello F., Ruggeri F.M. Complete genome sequence of a genotype 3 Hepatitis E strain identified in a swine farm in Italy.

22/09/2014 – 24/09/2014 – Orvieto (Italia)

**12esimo Congresso Nazionale della Società Italiana di Virologia**

---

Poster:

Monini M., De Sabato L., Di Bartolo I., Marata A., Bassi P., Ostanello F., Ruggeri F.M. Rotavirus and Hepatitis E infections in rabbits.

## Altro

---

28/05/2019 – Roma (Italia)

**Presentazione dei risultati del progetto CCM 2016 Epatite E, un problema emergente in sicurezza alimentare: approccio One Health per la valutazione del rischio**

---

04/04/2017 – Roma (Italia)

**Virus dell'Epatite E (HEV) e sicurezza delle sostanze biologiche di origine umana (SoHo)**

---

28/10/2016 – Palermo (Italia)

**Il Workshop Comitato Tecnico per la Genomica: Metagenomica e Sanità Pubblica Veterinaria**

---

17/12/2015 – Roma (Italia)

**XI Workshop Il Sistema Epidemiologico Integrato dell'Epatite Virale Acuta (SEIEVA) a 30 anni dal suo avvio: riflessioni sullo stato dell'arte e prospettive future**

---

## ● CORSI

---

### Corsi

---

-23rd International Bioinformatics Workshop on Virus Evolution and Molecular Epidemiology (VEME)  
Robert Koch-Institut, Berlino: 26-31 Agosto 2018

-Practical Course on Molecular Phylogeny and Population Genetics  
Università degli Studi di Roma "Roma Tre", Roma: 22-24 Febbraio 2017

-Molecular Phylogenetics and Systematics then, now and the future  
Università degli Studi di Roma "Roma Tre", Roma: 18-29 Luglio 2016

-2nd Course on Bioinformatics tools for Next Generation Sequencing data mining: use of bioinformatics tools for typing pathogenic E. coli  
Istituto Superiore di Sanità, Roma: 11-12 Giugno 2015

-Corsi di programmazione Datacamp online (<https://learn.datacamp.com>):

Data Manipulation with pandas (11 luglio 2021)

Data Processing in Shell (11 luglio 2021)

Intermediate Python (11 luglio 2021)

Introduction to Bash Scripting (11 luglio 2021)

Introduction to Data Science in Python (11 luglio 2021)

Introduction to Python (10 luglio 2021)

Introduction to R (30 ottobre 2016)

Introduction to Shell (2021) 11 luglio 2021

Python Data Science Toolbox (Part 1) (11 luglio 2021)

Writing Efficient Python Code (12 luglio 2021)

Il sottoscritto, consapevole che – ai sensi dell'art. 76 del D.P.R. 445/2000 – le dichiarazioni mendaci, la falsità negli atti e l'uso di atti falsi sono puniti ai sensi del codice penale e delle leggi speciali, dichiara che le informazioni rispondono a verità.

Autorizzo il trattamento dei miei dati personali presenti nel cv ai sensi del Decreto Legislativo 30 giugno 2003, n. 196 "Codice in materia di protezione dei dati personali" e dell'art. 13 del GDPR (Regolamento UE 2016/679).

Roma, 19/7/2021

Firma